

PIATTAFORMA DI SEQUENZIAMENTO				ZB
DESCRIZIONE PRESTAZIONE	RESPONSABILE	U.M.	COSTO TOT. € (IVA escl.)	COD. TARIFF.
Sequenziamento di una library con cartuccia MiSeq v3 (2x300 pb) - (corrispondente ad almeno 9 campioni di ampliconi o 0,5 genomi batterici)	Franzetti	€	260,00	ZB.1
Sequenziamento di una library con cartuccia MiSeq MiSeq v2 (2x250 pb) - (corrispondente ad almeno 9 campioni di ampliconio 0,5 genomi batterici)	Franzetti	€	216,00	ZB.2
Preparazione libreria ampliconi/WGS (Nextera XT DNA Library Preparation Kit)	Franzetti	€/camp	60,00	ZB.3
Preparazione libreria di cDNA per Whole-Transcriptome Sequencing (Illumina® Stranded Total RNA Prep, Ligation with Ribo-Zero Plus)	Franzetti	€/camp	160,00	ZB.4
Controllo qualità (DNA analyzer)	Franzetti	€/camp	12,00	ZB.6
Estrazione DNA genomico da campione ambientale o ceppo microbico	Franzetti	€/camp	30,00	ZB.7
Tecnico di laboratorio per 1 h	Franzetti	€/h	50,00	ZB.8
Analisi bioinformatica sequenziamento Illumina MiSeq gene per SSU o ITS: creazione tabella OTU vs abbondanza	Franzetti	€/camp	10,00	ZB.9
Analisi bioinformatica Whole Metagenome Sequencing: tabella annotazione funzionale e abbondanza dei geni predetti	Franzetti	€/camp	200,00	ZB.10

Richiesta scritta (con nominativo, indirizzo, C.F. o P.IVA, firma del richiedente) da indirizzare a:

Direttore Dip.to Prof. Claudio Greco
claudio.greco@unimib.it

e p/c a uno dei Referenti:

Prof. Andrea Franzetti
andrea.franzetti@unimib.it

DISAT - Dipartimento di Scienze dell'Ambiente e della Terra
 Università degli Studi di Milano-Bicocca
 Piazza della Scienza, 1 - 20126 Milano - Italia