

COGNOME NOME	Bonati Laura
QUALIFICA	Professore Associato confermato
INDIRIZZO	Dipartimento di Scienze dell'Ambiente e del Territorio; Edificio U1, piazza della Scienza 1- 20126 Milano
TELEFONO	+39-02-64482821
MAIL	laura.bonati@unimib.it
WEB PAGE	www.disat.unimib.it

CARRIERA ACCADEMICA	<p>Dal 1.11.2000 ad oggi: Professore di II fascia nel settore scientifico-disciplinare CHIM02 - Chimica Fisica (confermato dal 1.11.2003) - presso il Dipartimento di Scienze dell'Ambiente e del Territorio dell'Università degli Studi di Milano-Bicocca (UNIMIB).</p> <p>Dal 16.3.1993 al 31.10.2000: Ricercatore nel settore scientifico-disciplinare CHIM02 - Chimica Fisica (confermato dal 16.3.1996) - presso il Dipartimento di Chimica-Fisica ed Elettrochimica dell'Università degli Studi di Milano (UNIMI).</p>
DIDATTICA	<p>Titolarità: titolare dall'a.a. 2000/2001 di diversi insegnamenti nel CdL in Scienze Ambientali (SA), e nei CdL Specialistica in Scienze e Tecnologie per l'Ambiente e per il Territorio (STAT) e Scienze e Tecnologie Chimiche (STC), UNIMIB.</p> <p>Nell'anno accademico 2008-2009:</p> <ul style="list-style-type: none"> - Chimica Fisica Superiore (mod. I) per STC - Modellistica Molecolare dei Contaminanti per STAT. <p>Affidamenti: negli a.a. 2007/08 e 2008/09, insegnamento di "Didattica della Chimica" per il Corso di Laurea in Scienze della Formazione Primaria, UNIMIB; dal a.a. 2003/04 al 2005/06 insegnamenti per il Corso di Laurea Specialistica in Biologia Applicata alla Ricerca Biomedica e dal a.a. 1997/98 al 1999/00 per il Corso di Laurea in Scienze Biologiche, Università degli Studi dell'Insubria;</p> <p>Corsi post Laurea: Corso di Dottorato di Ricerca in Scienze Chimiche e Master Universitario di I livello in Bioinformatica, UNIMIB; Dottorato di Ricerca in Scienze Chimiche, Scuola di Specializzazione in Sintesi Chimica, Corso di Perfezionamento in Processi e Aspetti Gestionali della Chimica Fine e Farmaceutica, Master II livello in Chimica Fine e Farmaceutica, UNIMI.</p> <p>Tesi di Laurea: relatore di 5 tesi per il CdL in SA e di 2 tesi per il CdL in STC, UNIMIB; relatore di 2 tesi e correlatore di 6 tesi, per il CdL in Chimica, UNIMI.</p> <p>Tesi di Dottorato di ricerca: relatore di 5 tesi di Dottorato in Scienze Chimiche, di cui 4 per UNIMIB e 1 per UNIMI.</p>
ATTIVITA' DI RICERCA	<ul style="list-style-type: none"> • Studio di sistemi proteici mediante metodi bioinformatici.

	<ul style="list-style-type: none"> • Studio computazionale delle proprietà dinamiche di strutture proteiche. • Modellistica molecolare delle interazioni legante-proteina e proteina-proteina. • Modellistica molecolare dei meccanismi di azione biologica di contaminanti ambientali.
<p>PRINCIPALI PUBBLICAZIONI RELATIVE AGLI UTLIMI CINQUE ANNI</p>	<p>A. Pandini, L. Bonati (2005). Conservation and specialisation in PAS domain dynamics. <i>Protein Eng. Des. Sel.</i>, <u>18</u>, 127-137.</p> <p>I.A. Murray, R.K. Reen, N. Leathery, P. Ramadoss, L. Bonati, F.J. Gonzalez, J.M. Peters, G.H. Perdew. (2005). Evidence that ligand binding is a key determinant of Ah receptor-mediated transcriptional activity. <i>Arch. Biochem. Biophys.</i>, <u>442</u>, 59-71.</p> <p>Pandini A., Denison M.S., Song Y., Soshilov A.A., Bonati L. (2007). Structural and functional characterization of the Aryl hydrocarbon receptor ligand binding domain by homology modeling and mutational analysis. <i>Biochemistry</i>, <u>46</u>, 696-708.</p> <p>Pandini A., Bonati L., Fraternali F., Kleinjung J. (2007). MinSet: a general approach to derive maximally representative database subsets by using fragment dictionaries and its application to the SCOP database. <i>Bioinformatics</i>, <u>23</u>, 515-516.</p> <p>Moro G., Bonati L., Bruschi M., Cosentino U., De Gioia L., Fantucci P.C., Pandini A., Papapleo E., Pitea D., Saracino G., Zampella G. (2007). Computational approaches to shed light on molecular mechanisms in biological processes. <i>Theoretical Chemistry Accounts</i>, <u>117</u>, 723-741.</p> <p>Pandini A., Mauri G., Bordogna A., Bonati L. (2007). Detecting similarities among distant homologous proteins by comparison of domain flexibilities. <i>Protein Engineering Design and Selection</i>, <u>20</u>, 285-299.</p>